

## Brojanje točkastih (genskih) mutacija

Ako promatramo dva stringa *s* i *t* jednake duljine možemo promatrati Hammingovu udaljenost koja predstavlja broj znakova u kojima se ta dva stringa razlikuju

### Ulazni podaci

Dva stringa od kojih svaki reprezentira jedan lanac DNA molekule

### Izlazni podaci

Program treba vratiti Hammingovu udaljenost unesenih stringova

### Test primjeri

**Ulaz**

GAGCCTACTAACGGGAT

CATCGTAATGACGGCCT

**izlaz**

7